

1.

Gene.pdf - Adobe Reader

Файл Редактирование Просмотр Окно Справка

Открыть 228 (1 из 9) 100%

Инструменты Заполнить и подписать Комментарии

Gene 686 (2019) 228–236

Contents lists available at ScienceDirect

Gene

journal homepage: [www.elsevier.com/locate/gene](http://www.elsevier.com/locate/gene)

Research paper

Association of genetic polymorphisms with age at menarche in Russian women

Irina Ponomarenko<sup>a</sup>, Evgeny Reshetnikov<sup>a,b</sup>, Oksana Altuchova<sup>b</sup>, Alexey Polonikov<sup>c</sup>, Inna Sorokina<sup>a</sup>, Anna Yermachenko<sup>d,e</sup>, Volodymyr Dvornyk<sup>f</sup>, Oleg Golovchenko<sup>g</sup>, Mikhail Churnosov<sup>h</sup>

<sup>a</sup> Department of Medical Biological Disciplines, Belgorod State University, 308015 Belgorod, Russia  
<sup>b</sup> Department of Obstetrics and Gynecology, Belgorod State University, 308015 Belgorod, Russia  
<sup>c</sup> Department of Biology, Medical Genetics and Ecology, Kursk State Medical University, 305041 Kursk, Russia  
<sup>d</sup> Department of Social Epidemiology, Pierre Louis Institute of Epidemiology and Public Health, 75571 Paris, France  
<sup>e</sup> Sorbonne Université, 75200 Paris, France  
<sup>f</sup> Department of Life Sciences, College of Science and General Studies, Alfasal University, 11533 Riyadh, Saudi Arabia

ARTICLE INFO

Keywords:  
Age at menarche  
Association  
Gene-gene interaction  
Single nucleotide polymorphism

ABSTRACT

Objectives: Examine the association of genetic polymorphisms with age at menarche (AAM) in Russian women.  
Study design: A total of 1613 Russian females were recruited for the study.  
Fifty two polymorphisms were analyzed for their association with AAM, height, and BMI.  
The associations were analyzed assuming the additive, dominant, and recessive models and using the log-linear regression as implemented in PLINK v. 2.050. The 2-, 3-, and 4-loci models of gene-gene interactions were analyzed using the MB-MDR method and validated by the permutation test.  
Main outcome measures: Genetic polymorphism rs6438424 3q13.32 was independently associated with AAM in Russian women. In addition, 14 SNPs were determined as possible contributors to this trait through gene-gene interactions.

RU 10:16 14.08.2020

2.

Hypertens Res.pdf - Adobe Reader

Файл Редактирование Просмотр Окно Справка

Открыть 1 / 16 100%

Инструменты Заполнить и подписать Комментарии

Этот файл соответствует стандарту PDF/A. В целях предотвращения внесения изменений он был открыт только для чтения.

Разрешить редактирование

Hypertension Research  
<https://doi.org/10.1038/s41440-018-0142-1>

ARTICLE

A comprehensive study revealed SNP–SNP interactions and a sex-dependent relationship between polymorphisms of the CYP2J2 gene and hypertension risk

Alexey V. Polonikov<sup>1,2</sup> · Irina V. Ponomarenko<sup>1</sup> · Marina A. Bykanova<sup>3</sup> · Svetlana S. Sirotina<sup>1</sup> · Anna V. Bocharova<sup>4</sup> · Kseniya V. Vagaytseva<sup>4</sup> · Vadim A. Stepanov<sup>4</sup> · Luliia E. Azarova<sup>5</sup> · Mikhail I. Churnosov<sup>6</sup> · Maria A. Solodilova<sup>1</sup>

Received: 31 August 2017 / Revised: 18 June 2018 / Accepted: 12 July 2018  
© The Japanese Society of Hypertension 2018

Abstract

This study investigated whether common polymorphisms of cytochrome P450 2J2 (CYP2J2), a major enzyme that controls the biosynthesis of vasoactive epoxyeicosatrienoic acids, are collectively involved in the molecular basis of essential hypertension (EH). A total of 2314 unrelated Russian subjects from the Kursk (discovery sample: 913 EH patients and 645 controls) and Belgorod (replication sample: 345 EH patients and 411 controls) regions were recruited for this study. Eight single nucleotide polymorphisms (SNPs), including rs890293, rs11572182, rs10493270, rs1155002, rs2280275, rs7515289, rs11572325, and rs10889162, of CYP2J2 were genotyped using the MassARRAY 4 system and TaqMan-based assays. Significant associations were identified among the SNPs rs890293 (OR = 2.17, 95%CI 1.30–3.65), rs2280275 (OR = 1.59, 95%CI 1.10–2.37) and rs11572325 (OR = 1.89, 95%CI 1.22–2.95) and the risk of EH in females from the Kursk population. Sixteen CYP2J2 genotype combinations only showed significant associations with EH risk only in females. A common haplotype, T-T-G-C-C-T-A, increased the risk of EH in females. The bioinformatic analysis enabled identification of the SNPs that were associated with the risk of EH in females. The bioinformatic analysis enabled identification of the SNPs that were associated with the risk of EH in females. The bioinformatic analysis enabled identification of the SNPs that were associated with the risk of EH in females.

RU 10:17 14.08.2020

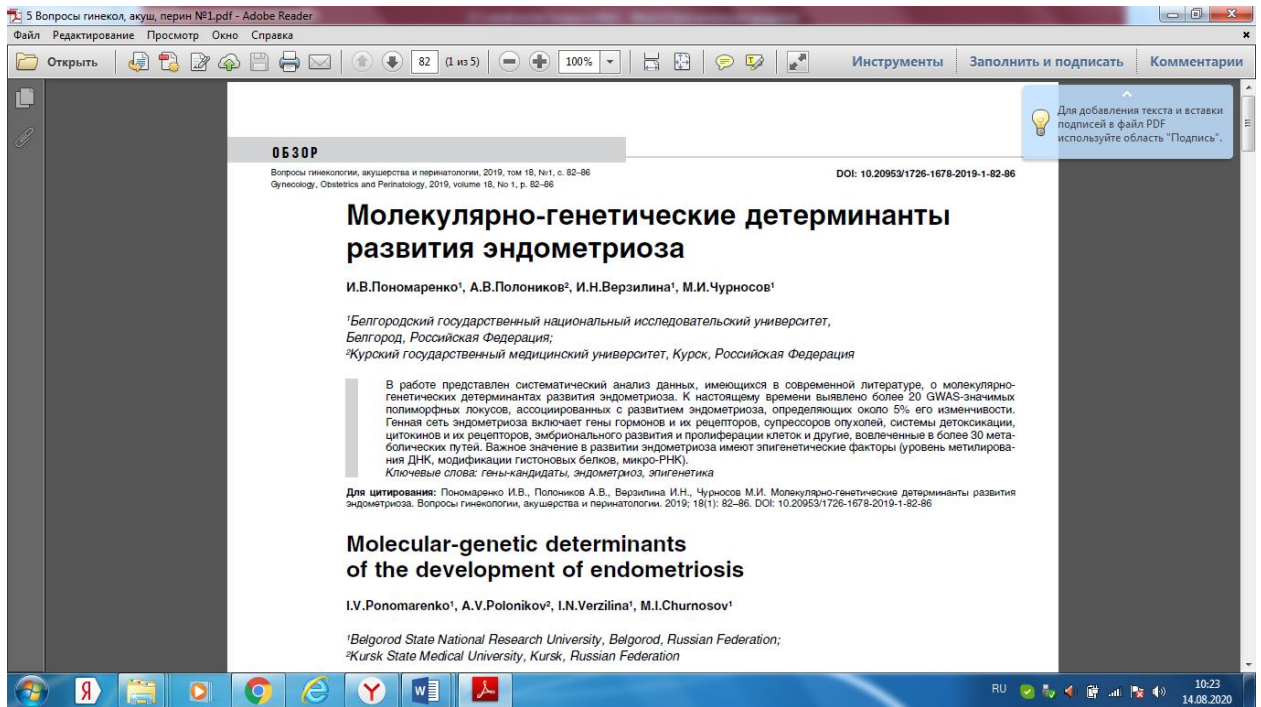
3.

The screenshot shows the Adobe Reader interface with a document titled "3 Data in brief.pdf". The document content is from the journal "Data in brief" (Volume 25, 2019, 104322). The article title is "Dataset of allele, genotype and haplotype frequencies of four LIN28B gene polymorphisms analyzed for association with age at menarche in Russian women". The authors listed are Irina Ponomarenko, Evgeny Reshetnikov, Oleg Golovchenko, Alexey Polonikov, Irina Verziлина, Inna Sorokina, Inna Aristova, Anna Yermachenko, Volodymyr Dvornyk, and Mikhail Churnosov. The abstract states: "In this paper, we present the allele, genotype and haplotype frequencies of 4 single nucleotide polymorphisms (SNPs) in LIN28B gene (rs494603, rs776928, rs34230, rs134276) in a sample of Russian women. These SNPs had been previously identified to be associated with age at menarche in genome-wide association studies (GWAS). The information about age at menarche was obtained using the questionnaire. The frequencies of alleles, genotypes and haplotypes of four SNPs were classified in 3 groups: the whole sample, individuals with the early age at menarche (<12 years), and those with the average age at menarche (12–14 years). © 2019 The Authors. Published by Elsevier Inc. This is an open access article under the CC BY license (http://creativecommons.org/licenses/by/4.0/)." The interface includes a top menu bar with "Файл", "Редактирование", "Просмотр", "Окно", and "Справка". The toolbar shows "Открыть", "Инструменты", "Заполнить и подписать", and "Комментарии". The status bar at the bottom indicates "RU" and the date "14.08.2020".

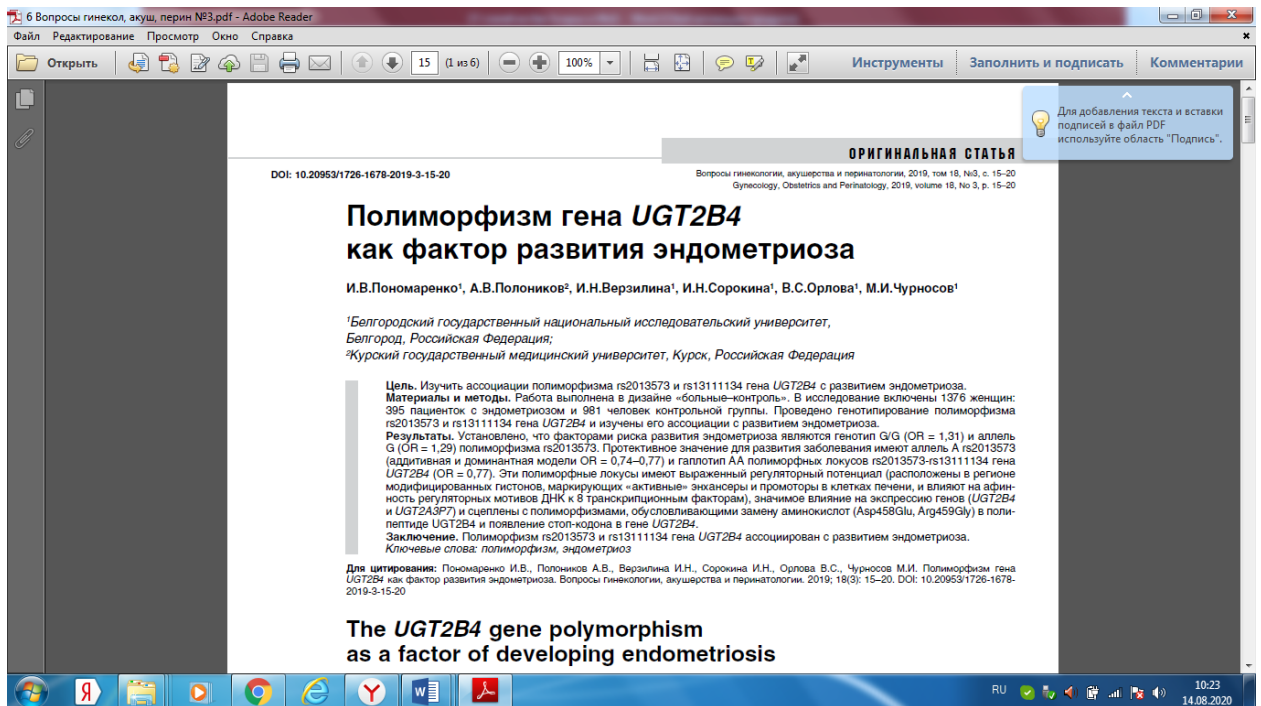
4.

The screenshot shows the Adobe Reader interface with a document titled "4 Taiwanese Journal of Obstetrics & Gynecology.pdf". The document content is from the journal "Taiwanese Journal of Obstetrics & Gynecology" (Volume 58, 2019, 390–395). The article title is "The VNTR polymorphism of the endothelial nitric oxide synthase gene and blood pressure in women at the end of pregnancy". The authors listed are Evgeny Reshetnikov, Irina Ponomarenko, Oleg Golovchenko, Inna Sorokina, Irina Batlutskaya, Tatyana Yakunchenko, Volodymyr Dvornyk, Alexey Polonikov, and Mikhail Churnosov. The abstract states: "Objective: Examine the association of the 4a/4b polymorphism of endothelial nitric oxide synthase (eNOS) with blood pressure in women at late pregnancy. Materials and methods: Blood pressure before pregnancy and at the end of gestation (37–40-week term) was measured in 588 women of the Russian ancestry. The women were divided into groups according to the body mass index and the presence of preeclampsia at late pregnancy. The 4a/4b polymorphism of the eNOS gene was genotyped using PCR with subsequent screening of amplified fragment length polymorphisms. Results: The 4a4a eNOS genotype was associated with higher levels of diastolic blood pressure in pregnant women and with more pronounced dynamics of the diastolic and mean arterial pressure in the development of pregnancy (p = 0.02–0.03). Pregnant women with the 4a4a genotype and increased body mass index had higher systolic, diastolic, and mean arterial pressure (p = 0.001–0.009). In pregnant women with preeclampsia, the 4a4a genotype was associated with higher level of diastolic blood pressure at the end of pregnancy (p = 0.04), whereas in the women without preeclampsia this genotype" The interface includes a top menu bar with "Файл", "Редактирование", "Просмотр", "Окно", and "Справка". The toolbar shows "Открыть", "Инструменты", "Заполнить и подписать", and "Комментарии". The status bar at the bottom indicates "RU" and the date "14.08.2020".

5.



6.



7.

7 Вопросы гинекол, акуш, перин №5.pdf - Adobe Reader

Оригинальная статья

DOI: 10.20953/1726-1678-2019-5-29-34

Вопросы гинекологии, акушерства и перинатологии, 2019, том 18, №5, с. 29-34  
Gynecology, Obstetrics and Perinatology, 2019, volume 18, No 5, p. 29-34

## Полиморфизм гена *ESR1* ассоциирован с возрастом менархе у женщин России

И.В.Пономаренко<sup>1</sup>, Е.А.Решетников<sup>1</sup>, А.В.Полоников<sup>2</sup>, И.Н.Верзилина<sup>1</sup>,  
И.Н.Сорокина<sup>1</sup>, Е.Н.Крикун<sup>1</sup>, В.С.Орлова<sup>1</sup>, М.И.Чурносов<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Белгородский государственный национальный исследовательский университет,  
Белгород, Российская Федерация;  
<sup>2</sup>Курский государственный медицинский университет, Курск, Российская Федерация

**Цель.** Изучить ассоциации полиморфных локусов rs3020394 и rs1884051 гена *ESR1* с возрастом менархе у женщин России и оценить их регуляторный потенциал.  
**Пациенты и методы.** Выборка для исследования включала 1613 женщин. Проведено генотипирование полиморфных локусов rs3020394 и rs1884051 гена *ESR1*.  
**Результаты.** Установлено, что аллель G полиморфизма rs3020394 ассоциирован с поздним менархе, а гаплотип AA полиморфных локусов rs3020394-rs1884051 гена *ESR1* – с ранним менархе. Полиморфные локусы rs3020394 и rs1884051 гена *ESR1* имеют значимый регуляторный потенциал – расположены в регионе модифицированных гистонов, маркирующих энхансеры и промоторы в менархе-значимых тканях, и rs1884051 влияет на адфизность регуляторных мотивов ДНК к 6 транскрипционным факторам – Rad21\_disc5, TATA\_disc1, TATA\_disc7, YY1\_knowm2, YY1\_knowm3, YY1\_knowm5.  
**Выводение.** Полиморфные локусы rs3020394 и rs1884051 гена *ESR1* ассоциированы с возрастом менархе у женщин России и имеют значимый регуляторный потенциал.  
**Ключевые слова:** возраст менархе, полиморфизм, регуляторный потенциал

**Для цитирования:** Пономаренко И.В., Решетников Е.А., Полоников А.В., Верзилина И.Н., Сорокина И.Н., Крикун Е.Н., Орлова В.С., Чурносов М.И. Полиморфизм гена *ESR1* ассоциирован с возрастом менархе у женщин России. Вопросы гинекологии, акушерства и перинатологии. 2019; 18(5): 29-34. DOI: 10.20953/1726-1678-2019-5-29-34

### The *ESR1* gene polymorphism is associated with the age of menarche in Russian women

RU 10:24 14.08.2020

8.

8 Вопросы гинекол, акуш и перин №6.pdf - Adobe Reader

Оригинальная статья

DOI: 10.20953/1726-1678-2019-6-28-33

Вопросы гинекологии, акушерства и перинатологии, 2019, том 18, №6, с. 28-33  
Gynecology, Obstetrics and Perinatology, 2019, volume 18, No 6, p. 28-33

## Полиморфизм rs222003 гена *GC* как предиктор развития гиперплазии эндометрия

И.В.Пономаренко<sup>1</sup>, И.Н.Верзилина<sup>1</sup>, И.Н.Сорокина<sup>1</sup>, Е.Н.Крикун<sup>1</sup>, В.С.Орлова<sup>1</sup>, А.В.Полоников<sup>2</sup>

<sup>1</sup>Белгородский государственный национальный исследовательский университет,  
Белгород, Российская Федерация;  
<sup>2</sup>Курский государственный медицинский университет, Курск, Российская Федерация

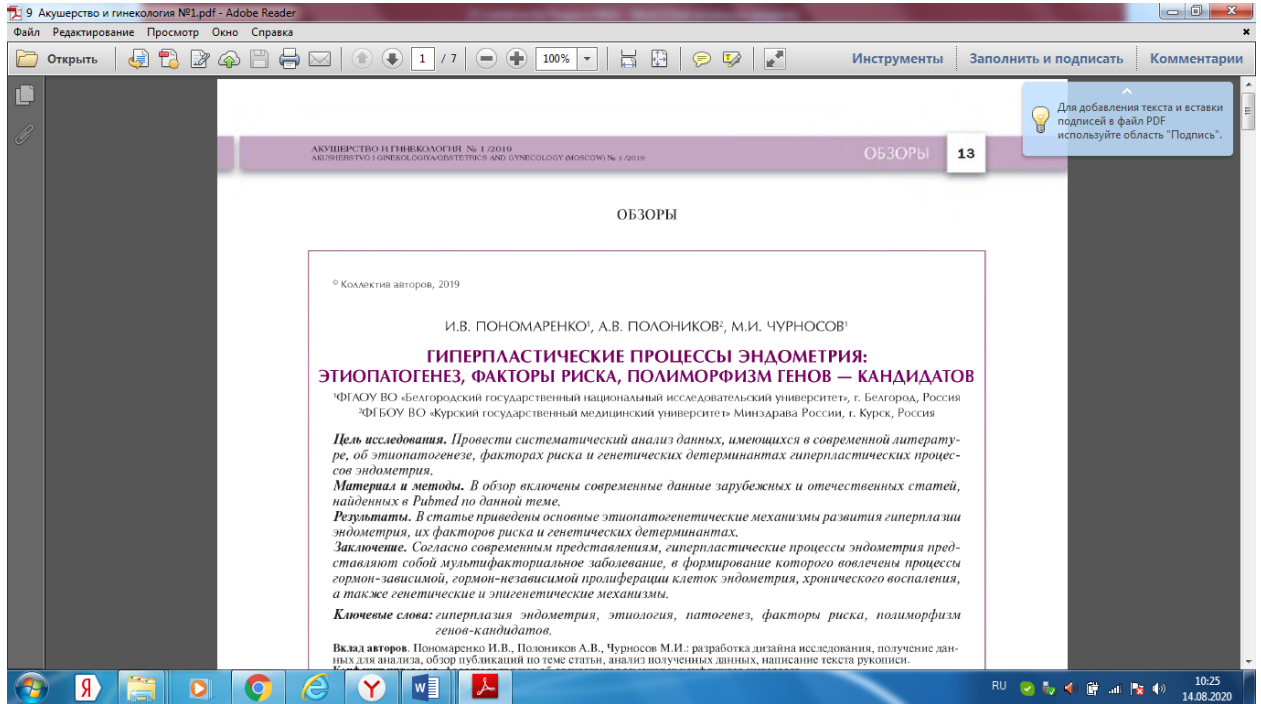
**Цель.** Изучить ассоциации полиморфных локусов rs222003 и rs222020 гена *GC* с развитием гиперплазии эндометрия и оценить их регуляторный потенциал.  
**Пациенты и методы.** Выборка для исследования включала 520 больных с гиперплазией эндометрия и 696 женщин контрольной группы. Проведено генотипирование полиморфных локусов rs222003 и rs222020 гена *GC*.  
**Результаты.** Полиморфизм rs222003 гена *GC* ассоциирован с развитием гиперплазии эндометрия – генетическими факторами риска развития гиперплазии эндометрия являются генотип GG (OR = 1,44, 95% CI 1,01–2,08, p = 0,05) и аллель G (OR = 1,45, 95% CI 1,03–2,07, p = 0,03). Полиморфизм rs222003 находится в регионе модифицированных гистонов, маркирующих энхансеры в клетках печени, и регионе регуляторных мотивов ДНК, являющихся сайтами связывания с пятью факторами транскрипции – Hoxa3\_1, lrf\_knowm10, lrf\_knowm11, lrf\_knowm6, STAT\_disc3.  
**Выводение.** Полиморфизм rs222003 гена *GC* ассоциирован с развитием гиперплазии эндометрия.  
**Ключевые слова:** гиперплазия эндометрия, однонуклеотидный полиморфизм

**Для цитирования:** Пономаренко И.В., Верзилина И.Н., Сорокина И.Н., Крикун Е.Н., Орлова В.С., Полоников А.В. Полиморфизм rs222003 гена *GC* как предиктор развития гиперплазии эндометрия. Вопросы гинекологии, акушерства и перинатологии. 2019; 18(6): 28–33. DOI: 10.20953/1726-1678-2019-6-28-33

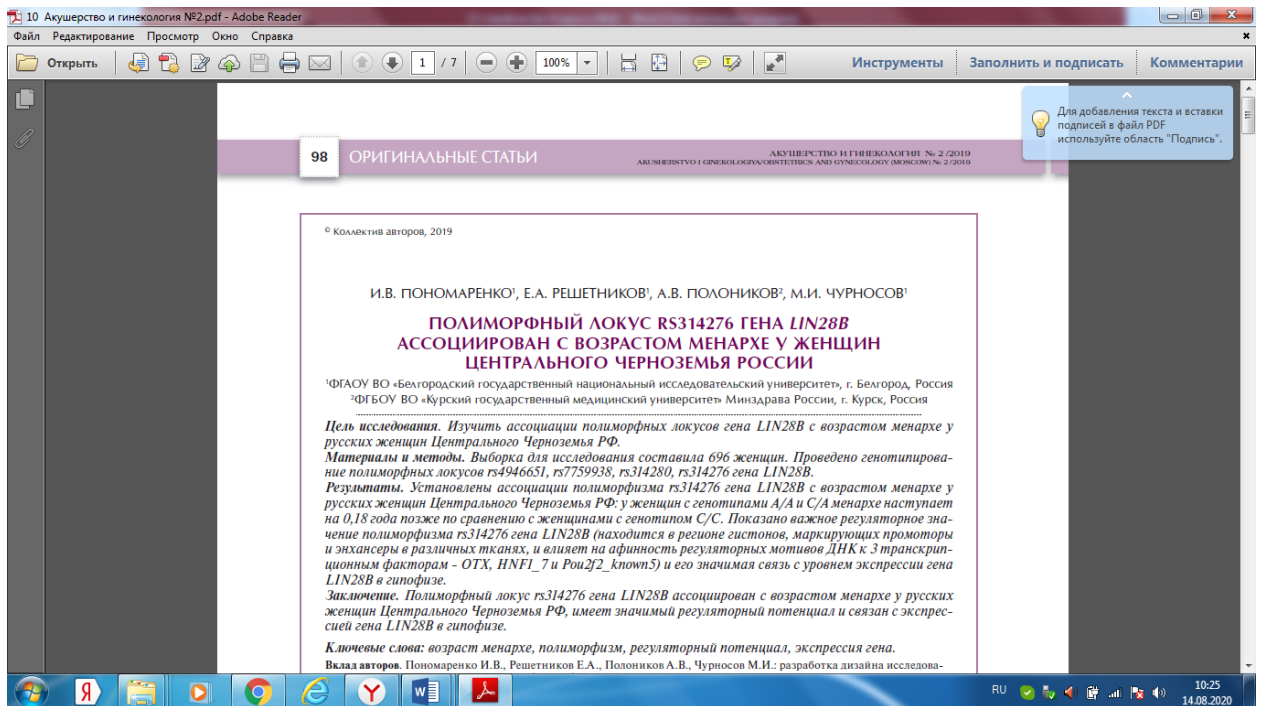
### Polymorphism rs222003 of *GC* gene as a predictor of endometrial hyperplasia

RU 10:24 14.08.2020

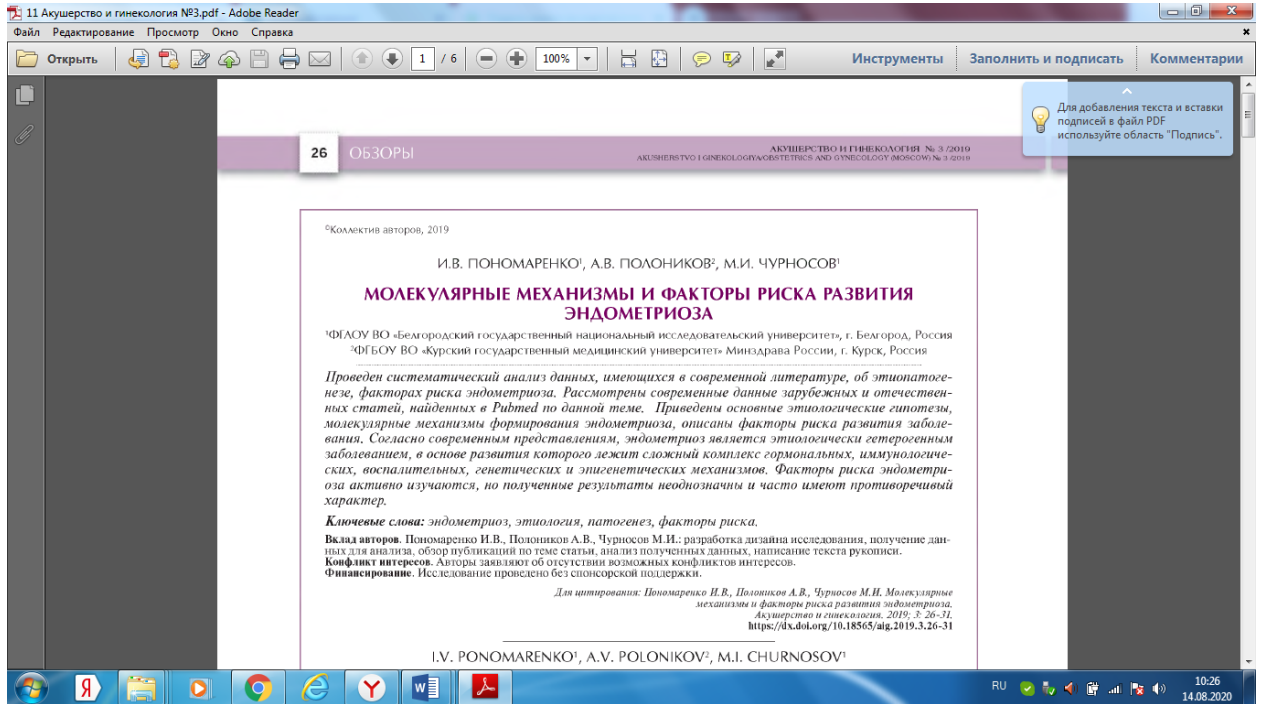
9.



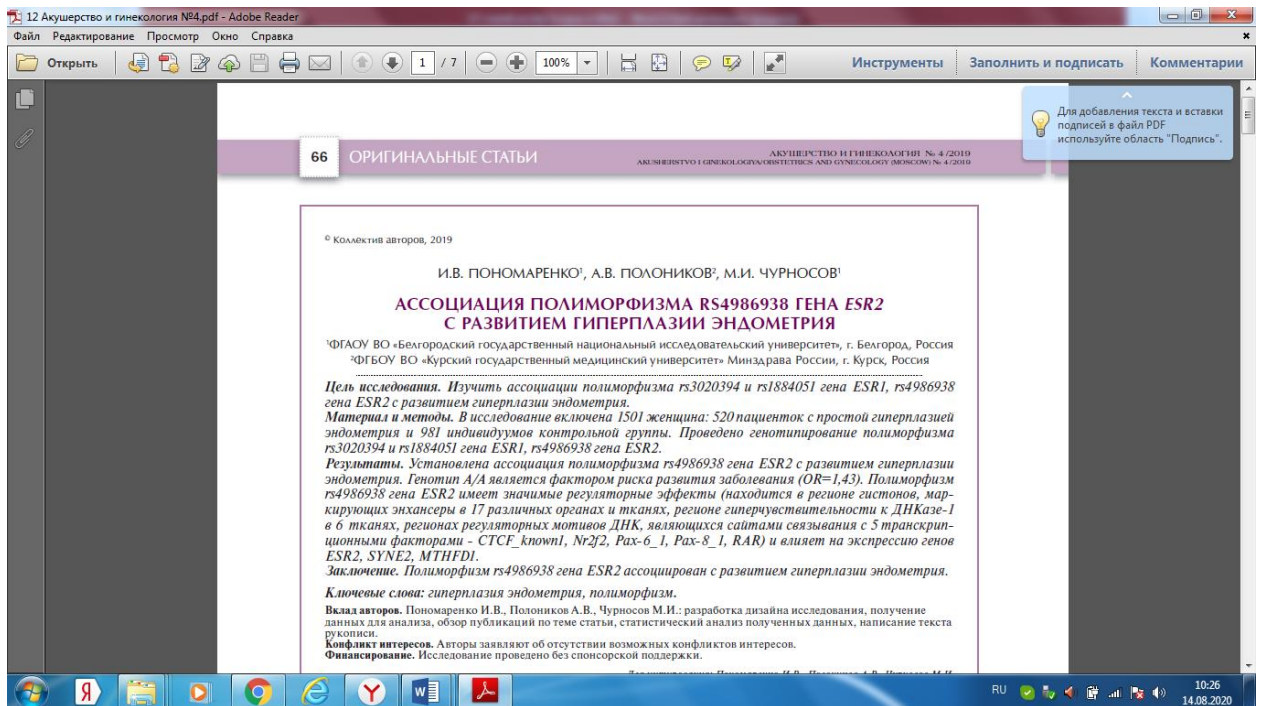
10.



11.



12.



13.

13 Артериальная гипертензия.pdf - Adobe Reader

Артериальная Гипертензия / Arterial Hypertension 2019;25(1):60-65

ISSN 1607-419X  
ISSN 2411-8524 (Online)  
УДК 616.12-068.331

**Полиморфный локус rs652438 гена MMP2 ассоциирован с развитием артериальной гипертензии у женщин**

М.И. Москаленко<sup>1</sup>, Н.В. Пономаренко<sup>1</sup>, А.В. Полоников<sup>2</sup>, М.И. Чурносов<sup>1</sup>

<sup>1</sup> Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Белгородский государственный национальный исследовательский университет», Белгород, Россия  
<sup>2</sup> Федеральное государственное образовательное учреждение высшего образования «Курский государственный медицинский университет» Министерства здравоохранения Российской Федерации, Курск, Россия

Контактная информация:  
Москаленко Мария Ивановна,  
ИМУ «БелГУ»,  
ул. Попова, д. 85, Белгород,  
Россия, 308015.  
Тел.: +7(472)35-13-11.  
E-mail: Mmoskal101199@yandex.ru

Сматривается в редакции  
17.07.18 и принята к печати 12.12.18.

**Резюме**  
Цель исследования — изучить ассоциации полиморфных локусов rs243865 MMP2, rs17577 MMP9, rs652438 MMP2 с развитием артериальной гипертензии (АГ) у женщин Центрального Черноземья России. Материалы и методы. Проведено исследование 584 женщины: 375 больных АГ и 209 лиц контрольной группы. Анализ полиморфных локусов металлопротеиназ проводили с помощью real-time полимеразной реакции методом TaqMan-зондов. Статистический анализ осуществляли в программе STATISTICA for Windows 10.0. Предикторное значение неспинонимичных однонуклеотидных полиморфизмов (ОНП) оценивали с помощью программы Sorting Tolerant From Intolerant (<http://sift.jcvi.org>), регуляторный потенциал анализировали с использованием программного обеспечения HaploReg (v4.1) (<http://archive.broadinstitute.org>). Влияние полиморфных локусов на экспрессию генов определяли по данным проекта Genotype-Tissue Expression (<http://www.gtexportal.org>). Результаты. Установлены значимые ассоциации

14.

14 Ожирение и метаболизм.pdf - Adobe Reader

66 | Ожирение и метаболизм / Obesity and metabolism НАУЧНОЕ ИССЛЕДОВАНИЕ

**РОЛЬ ОЖИРЕНИЯ В РЕАЛИЗАЦИИ ГЕНЕТИЧЕСКОЙ ПРЕДРАСПОЛОЖЕННОСТИ К РАЗВИТИЮ ГИПЕРТОНИЧЕСКОЙ БОЛЕЗНИ У МУЖЧИН**

© М.И. Москаленко<sup>1\*</sup>, И.В. Пономаренко<sup>1</sup>, А.В. Полоников<sup>2</sup>, И.Н. Сорокина<sup>1</sup>, И.В. Батлуцкая<sup>1</sup>, М.И. Чурносов<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Белгородский государственный национальный исследовательский университет, Белгород, Россия;  
<sup>2</sup>Курский государственный медицинский университет, Курск, Россия

**Обоснование.** Ожирение считается неинфекционной пандемией, а рост его распространения представляет собой серьезную медико-социальную проблему. Высокие значения индекса массы тела тесно коррелируют с артериальной гипертензией и ее осложнениями, однако влияние ожирения на реализацию наследственной предрасположенности к гипертонической болезни (ГБ) остается слабо изученным.

**Цель.** Изучить ассоциации полиморфных локусов MMP с развитием ГБ у мужчин в зависимости от наличия ожирения.

**Методы.** Исследование проведено в дизайне «случай-контроль». В зависимости от наличия ожирения было сформировано две группы мужчин для исследования: с ожирением (больные ГБ – 323, контроль – 46) и без ожирения (больные ГБ – 241, контроль – 211). Всем мужчинам, включенным в исследование, проводилось генотипирование восьми полиморфных локусов MMP. Несинонимичные SNP выявляли при помощи онлайн-программы SIFT (<https://sift.bila-star.edu.sg/>). Функциональное значение полиморфных маркеров оценивали при помощи сервиса HaploReg (<https://pubs.broadinstitute.org/mammals/haploreg/haploreg.php>), влияние локусов на уровень экспрессии – с использованием GTEx-portal (<http://www.gtexportal.org>).

**Результаты.** Установлено, что у мужчин с ожирением в формирование ГБ вовлечены аллель A (OR=2,01; p=0,01) и генотип GG (OR=0,42; p=0,01) полиморфного локуса rs11568818 гена MMP7. У мужчин без ожирения с развитием заболевания ассоциированы аллель 6A (OR=1,32, p=0,04) rs3025058 гена MMP2 и генотипы GG (OR=1,52; p=0,04) и GA (OR=0,63; p=0,03) rs17577 гена MMP9. Показано, что полиморфные локусы, ассоциированные с развитием ГБ, характеризуются значимым регуляторным потенциалом – они располагаются в регионе гистонов, маркирующих промоторы и энхансеры, в области гиперчувствительности к DNКазе-1, в сайтах связывания регуляторных белков и транскрипционных факторов, а также влияют на уровень экспрессии генов.

**Заключение.** Таким образом, в настоящем исследовании установлены ассоциации с развитием ГБ полиморфного ло-

15.

15 Кардиология.pdf - Adobe Reader

Файл Редактирование Просмотр Окно Справка

Открыть 28 (1 из 8) 100% Инструменты Заполнить и подписать Комментарии

ОРИГИНАЛЬНЫЕ СТАТЬИ

DOI: 10.18087/cardio.2598

Москаленко М.И.<sup>1</sup>, Миланова С.Н.<sup>1</sup>,  
Пономаренко И.В.<sup>1</sup>, Полоников А.В.<sup>2</sup>, Чурносов М.И.<sup>1</sup>

<sup>1</sup> – ФГАОУ ВПО НИУ «БелГУ», 308015, Белгород, ул. Победы, д. 85,  
<sup>2</sup> – Курский государственный медицинский университет, 305004, г. Курск, ул. К. Маркса, 3

**ИССЛЕДОВАНИЕ АССОЦИАЦИЙ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНОВ МАТРИКСНЫХ МЕТАЛЛОПРОТЕИНАЗ С РАЗВИТИЕМ АРТЕРИАЛЬНОЙ ГИПЕРТЕНЗИИ У МУЖЧИН**

Ключевые слова: артериальная гипертензия, матриксные металлопротеиназы (ММП), однонуклеотидный полиморфизм (ОНП)

Смысла для цитирования: Москаленко М. И., Миланова С. Н., Пономаренко И. В., Полоников А. В., Чурносов М. И. Исследование ассоциаций полиморфизма генов матриксных металлопротеиназ с развитием артериальной гипертензии у мужчин. Кардиология. 2019;59(7S):28–?

**РЕЗЮМЕ**

**Цель исследования.** Изучить ассоциации полиморфных локусов матриксных металлопротеиназ (ММП) с развитием артериальной гипертензии (АГ) у мужчин Центрального Черноземья России. **Материалы и методы.** Проведено исследование 564 пациентов с АГ и 257 мужчин контрольной группы. Анализ полиморфных локусов металлопротеиназ rs11568818 MMP7, rs1320632 MMP8, rs11225395 MMP8, rs1799750 MMP1, rs3025058 MMP3 осуществляли с помощью полимеразной цепной реакции в реальном времени. Изучение ассоциаций однонуклеотидных полиморфизмов (ОНП) и их гаплотипов с развитием артериальной гипертензии проводили с помощью логистического регрессионного анализа в программе PLINK v.2.050. Регуляторный потенциал полиморфных локусов анализировали в программе HaploReg (v.4.1) (<http://archive.broadinstitute.org>). Влияние ОНП на экспрессию генов изучали по данным проекта Genotype-Tissue Expression (<http://www.gtexportal.org>). **Результаты.** Установлены значимые ассоциации гаплотипа G-A-C-1G, включающего rs11568818 MMP7, rs1320632 MMP8, rs11225395 MMP8 и rs1799750 MMP1, с высоким риском возникновения артериальной гипертензии у мужчин (отношение шансов 2,58, p=0,04). Изученные ОНП расположены в регионах ДНК, которые связываются с модифицированными

10:28 14.08.2020

16.

16 Неврология и психиатрия.pdf - Adobe Reader

Файл Редактирование Просмотр Окно Справка

Открыть 1 / 7 100% Инструменты Заполнить и подписать Комментарии

Журнал неврологии и психиатрии 2019, т. 119, № 3, с. 11–17  
<https://doi.org/10.17116/nevro201911903211>

Journal of Neurology and Psychiatry 2019, vol. 119, no 3, pp. 11–17  
<https://doi.org/10.17116/nevro201911903211>

**Роль стрессового фактора в реализации генетической предрасположенности к развитию инсульта на фоне гипертонической болезни**

© М.И. МОСКАЛЕНКО<sup>1</sup>, И.В. ПОНОМАРЕНКО<sup>1</sup>, А.В. ПОЛОНИКОВ<sup>2</sup>, Н.И. ЖЕРНАКОВА<sup>1</sup>, О.А. ЕФРЕМОВА<sup>1</sup>, М.И. ЧУРНОСОВ<sup>1</sup>

<sup>1</sup>ФГАОУ ВО «Белгородский государственный национальный исследовательский университет», Белгород, Россия;  
<sup>2</sup>ФГБОУ ВО «Курский государственный медицинский университет», Курск, Россия

**Резюме**

**Цель исследования.** Изучить взаимодействие полиморфных маркеров матриксных металлопротеиназ (ММП) и хронического стресса при формировании инсульта на фоне гипертонической болезни. **Материал и методы.** Проведено обследование 830 пациентов: 303 больных с ишемическим инсультом на фоне гипертонической болезни и 527 больных с гипертонической болезнью без инсульта. Исследование SNP металлопротеиназ осуществляли методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. Функциональное значение и влияние полиморфных локусов на экспрессию генов изучали с помощью сервисов HaploReg (v4.1) (<http://archive.broadinstitute.org>) и GTEx-portal (<http://www.gtexportal.org>). **Результаты и заключение.** Установлена ассоциация генотипа GG rs11568818 гена MMP7 с высоким риском развития инсульта у пациентов, подверженных регулярному стрессу (отношение шансов — ОШ 1,71). Выявлено, что аллель 3A и генотип 5A/5A rs3025058 гена MMP3 оказывают протективное влияние при развитии инсульта у лиц, не имеющих хронического стресса в анамнезе (ОШ 0,73 и ОШ 0,60 соответственно). Изученные SNP локализованы в регионе белков-гистонов H3K4me1 и H3K4me3, гиперчувствительности к DNKазе-1, связывания регуляторных белков и факторов транскрипции, а полиморфный локус rs11568818 связан с уровнем экспрессии гена MMP7.

**Ключевые слова:** ишемический инсульт, матриксные металлопротеиназы, однонуклеотидный полиморфизм, стресс

**Информация об авторах:**  
Москаленко М.И. — e-mail: mariam31011989@yandex.ru; <https://orcid.org/0000-0003-0769-4095>


10:28 14.08.2020




17 Проблемы эндокринологии - Средство просмотра фотографий Windows

Белгородский x Zimbra Вход: x Подана заяв: x журнал пробл: x Проблемы эн: x Генно-средо: x Генно-средо: x

elibrary.ru/item.asp?id=42987425



LIBRARY.RU  
НАУЧНАЯ ЭЛЕКТРОННАЯ БИБЛИОТЕКА



КОРЗИНА

ПОИСК

### ИНФОРМАЦИЯ О ПУБЛИКАЦИИ

eLIBRARY ID: 42987425 DOI: 10.14341/probl0236

**ГЕНО-СРЕДОВЫЕ ВЗАИМОДЕЙСТВИЯ ПОЛИМОРФНЫХ ЛОКУСОВ MNP И ОЖИРЕНИЯ ПРИ ФОРМИРОВАНИИ АРТЕРИАЛЬНОЙ ГИПЕРТЕНЗИИ У ЖЕНЩИН.**

МОСКАЛЕНКО МАРИЯ ИВАНОВНА<sup>1</sup>, ПОЛОННИКОВ АЛЕКСЕЙ ВАЛЕРЬЕВИЧ<sup>2</sup>,  
СОРОКИНА ИРИНА НИКОЛАЕВНА<sup>1</sup>, ЯКУНЧЕНКО ТАТЬЯНА ИГОРЕВНА<sup>1</sup>,  
КРИКОУН ЕВГЕНИЙ НИКОЛАЕВИЧ<sup>1</sup>, ПОНОМАРЕНКО ИРИНА ВАСИЛЬЕВНА<sup>1</sup>

<sup>1</sup> Белгородский государственный национальный исследовательский университет, Белгород  
<sup>2</sup> Курский государственный медицинский университет Минздрава России, Курск

Тип: статья в журнале - научная статья Язык: русский  
Том: 65 Номер: 6 Год: 2019 Страницы: 425-435 Поступила в редакцию: 10.06.2019

ЖУРНАЛ:  
ПРОБЛЕМЫ ЭНДОКРИНОЛОГИИ  
Издательство: Издательство Медине Сфера (Москва)  
ISSN: 0375-9660 eISSN: 2308-1430

КЛЮЧЕВЫЕ СЛОВА:  
АРТЕРИАЛЬНАЯ ГИПЕРТЕНЗИЯ, ОЖИРЕНИЕ, МАТРИКСНЫЕ МЕТАЛЛОПРОТЕИНАЗЫ, ГЕНЕТИЧЕСКИЙ ПОЛИМОРФИЗМ, ESSENTIAL HYPERTENSION, OBESITY, MATRIX METALLOPROTEINASES, GENETIC POLYMORPHISM

АННОТАЦИЯ:  
Обобщение. Распространенность артериальной гипертензии (АГ) увеличивается с каждым годом во всем мире. В развитии АГ вовлечены генетические и средовые факторы риска, основным из которых является ожирение. В связи с этим актуальным представляется изучение генно-средовых взаимодействий при развитии гипертензии. Цель: изучить генно-средовые взаимодействия полиморфных локусов MNP и ожирения, ассоциированные с развитием артериальной гипертензии у женщин. Методы. Исследование проведено в двойной слепой-контроль. Выборку включили 594 обследованные: 375 пациенток с АГ и 209 женщины контрольной группы. Всем лицам, включенным в исследование, проводилось генотипирование восьми полиморфных локусов MNP. Изучение генно-

РОССИЙСКИЙ ИНДЕКС НАУЧНОГО ЦИТИРОВАНИЯ  
**Science Index**

ИНСТРУМЕНТЫ

- Просмотреть отвлечение влуска
- Перейти на полный текст на внешнем сайте:
- Опубликована версия на сайте издательства: [probl-endocrinology.ru](http://probl-endocrinology.ru)
- Список статей в Google Академия, цитируемых данных
- Добавить публикацию в подборку:
- Новая подборка
- Редактировать Вашу заметку к публикации
- Обсудить эту публикацию с другими читателями
- Показать все публикации этого автора
- Найти близкие по тематике публикации

RU 9:52 14.08.2020

RU 10:28 14.08.2020